

平成 29 年～平成 30 年 3 月

「生体分子コバレント修飾の革新的解析拠点形成」プロジェクト研究成果

研究室名： 医薬分子化学 研究室

【原著】

- Kojima H, Itoh T, **Yamamoto K.** On-site reaction for PPAR γ modification using a specific bifunctional ligand. *Bioorg. Med. Chem.* **25**, 6492 – 6500 (2017). doi: 10.1016/j.bmc.2017.10.024. [\[BMC\]](#)
- Kato A, Yamao M, Hashihara Y, Ishida H, Itoh T, **Yamamoto K.** Vitamin D analogues with a p-hydroxyphenyl group at the C25 position: crystal structure of vitamin D receptor ligand-binding domain complexed with the ligand explains the mechanism underlying full antagonistic action. *J. Med. Chem.* **60**, 8394 – 8406 (2017). DOI: 10.1021/acs.jmedchem.7b00819 [\[ACS\]](#)
- Yamamoto Y, Itoh T, **Yamamoto K.** A study of synthetic approaches to 2-acyl DHA lysophosphatidic acid. *Org. Biomol. Chem.* **15**, 8186 – 8192 (2017). DOI: 10.1039/C7OB01771E [\[RSC\]](#)
- Ohura A, Itoh T, Ishida H, Saito A, **Yamamoto K.** Three-Component Regioselective Synthesis of Tetrahydrofuro[2,3-d]oxazoles and their Efficient Conversion to Oxazoles. *Asian J. Org. Chem.* **6**, 673-676 (2017). DOI: 10.1002/ajoc.201700074. [\[ACES\]](#)
- Egawa D, Itoh T, Kato A, Kataoka S, Anami Y, **Yamamoto K.** SRC2-3 binds to vitamin D receptor with high sensitivity and strong affinity. *Bioorg Med Chem.* **25**, 568–574 (2017). DOI: 10.1016/j.bmc.2016.11.020 [\[BMC\]](#)

【総説】

- 清水伸隆、浴本亨、穴見康昭、伊藤俊将、池口満徳、山本恵子. MD-SAXS 法によるビタミン D 受容体リガンド結合ドメインの不活性型および活性阻害型の溶液構造解析. 放射光学会誌. **30**, 264 – 275 (2017).

【依頼・招待講演等】

- ○山本恵子：ビタミン D 受容体の不活性型と活性阻害型の構造解明。2016 年度量子ビームサイエンスフェスタ（茨城）平成 29 年 3 月 14 日

- ○伊藤 俊将、小島 拓之、柳 諒太、樋口 愛理、山本 恵子：水素-重水素交換反応（HDX）を利用した共有結合性化合物の評価に関する研究。第 28 回日本レチノイド研究会学術集会（神戸）平成 29 年 11 月 19 日
- ○山本 恵子：核内受容体リガンドの創製とそれらの作用メカニズム解明に関する研究。日本薬学会 第 138 年会（金沢）平成 30 年 3 月 26 日